OPTIMIZACIÓN DE LA DEGRADACIÓN DE PLAGUICIDAS EN BIOMEZCLAS DE RESIDUOS AGROINDUSTRIALES Y DE INVERNADERO MEDIANTE BIOAUMENTACIÓN

*Jean Manuel Castillo, Laura Delgado-Moreno, Rogelio Nogales y Esperanza Romero**

*Estación Experimental del Zaidín-Consejo Superior de Investigaciones
Científicas (EEZ-CSIC), Departamento de Protección Ambiental,
C/ Profesor Albareda 1, 18008 Granada, España*

e-mail: esperanza.romero@eez.csic.es

*Investigación financiada por el ministerio de Economía y Competitividad
(CTM2010-16807), co-financiada con fondos FEDER
y apoyado por la empresa ROMEROLIVA*

<http://www.eez.csic.es/>

Objetivo : Mejorar la eficacia de degradación de plaguicida en sistemas de bioremediación biobed (SBB) constituidos por residuos agroindustriales mediante la bioaumentación.

Finalidad: Explotar la microbiota indígena de la biomezclas para incrementar el potencial de degradación de los SBB.

1. BIOMEZCLAS DE RESIDUOS AGROINDUSTRIALES

BIOVID: Suelo: Vermicompost sarmiento: Sarmiento (25/50/25) **VM**

BIOLIVA: Suelo: Vermicompost alperujo: Poda olivo (25/50/25) **OM**

BIOINVER: Suelo: Vermicompost tomate: Restos planta (25/50/25) **IM**

2. PLAGUICIDAS ESTUDIADOS SEGÚN CULTIVO

- **Vid:** Imidacloprid, Metalaxil, Oxifluorfen, Tebuconazol
- **Olivar:** Imidacloprid, Dimetoato, Oxifluorfen, Diuron, Tebuconazol
- **Invernadero:** Imidacloprid, Acetamiprid, Metalaxil, Tebuconazol.

3. AISLAMIENTO DE MICROORGANISMOS

I. Biomezcla Contaminada

VM OM IM

Incubación: 130µg g⁻¹ plaguicida
80% CC 1 mes T^a 20°C y oscuridad.

II. Enriquecimiento

50 ml MEL
+ 20 mg/l plag
Incubar 15 d

1 g

5ml

50ml MEL
reduciendo C y N
Incubación: 5 s 28°C
*Control biodegrad: HPLC

1 ml
dil 10⁻³ y 10⁻⁵

MEL Agar + 20 mg/l plaguicida

Crecimiento 7 d

III. Aislamiento e identificación

Bacterias y Hongos
MEL con Strept. ó Cicloheximida
*Caracterización molecular
por diferencia morfológica

IV. Preparación del inculo

100 ml MEL
+ 20 mg/l plag
Incubación hasta
fase exponencial

Bacterias y Hongos

Centrifugación

Lavado

buffer fosfato
(10 ml)

V. Bioaumentación

2ml = 2 x 10⁹ UFC g⁻¹ (Bact.)

2ml = 1 x 10⁵ UFC g⁻¹ (Hongos)

4. IDENTIFICACIÓN MEDIANTE EL ANALISIS DE LAS SECUENCIAS DEL ADN

(Bacterias)

(Hongos)

Árbol filogenético de las bacterias y hongos aislados

	VM	OM	IM	Clase/Familia
BACTERIAS (6)	<i>Brevundimonas sp</i>	<i>Brevundimonas sp</i>	<i>Ochrobactrum sp</i>	α -proteobacteria
	<i>Achromobacter sp</i>	<i>Achromobacter sp</i>	<i>Achromobacter sp</i>	β -proteobacteria
	<i>Staphylococcus sp</i>	<i>Bacillus sp</i>	<i>S. Epidermis sp</i>	Firmicutes
HONGOS (3)	<i>Acremonium sp</i>	<i>Fusarium sp</i>	<i>Acremonium sp</i>	Sordiaromycetes Nectriaceae
	Sordiaromycetes Hypocreaceae
		<i>Scopulariopsis sp</i>		Sordariomycetes Microascaceae

Detalles de las biomezclas inoculadas

IMI

IMsI

VMI

OMsI

6. DGEE: Supervivencia Inoculo de Bacterias

(Estéril)

1 2 3 4 5 6 VM 30d VM 0d OM 30d OM 0d IM 30d IM 0d

1. *Bacillus* sp

2. *Staphylococcus* sp

3. *Brevundimonas* sp

4. *Achromobacter* sp

5. *S. epidermis* sp

6. *Ochrobactrum* sp

(No estéril)

1 2 3 4 5 6 VM 30d VM 0d OM 30d OM 0d IM 30d IM 0d

7. DGEE: Supervivencia Inoculo de Hongos

- 1. *Scopulariopsis sp*
- 2. *Acremonium sp*
- 3. *Fusarium sp*

8. Abundancia microbiana de bacterias en las biomezclas OM, IM y VM inoculadas

9. Abundancia microbiana de hongos en las biomezclas OM, IM y VM inoculadas

10. Degradación de los plaguicidas en la biomezcla IM tras la bioaumentación con el consorcio

11. Degradación de los plaguicidas en la biomezcla OM tras la bioaumentación con el consorcio

12. Degradación de los plaguicidas en la biomezcla VM tras la bioaumentación con el consorcio

CONCLUSIONES

1. La menor supervivencia del consorcio de bacterias ocurre en la biomezcla **OM** estéril, en las no estériles destaca la subsistencia de *S. epidermis sp* sólo en **OM**.
2. En las biomezclas estériles *Fusarium sp* sobrevive en **OM** y **VM**, y se desarrolla en *todas las no estériles*. *Acremonium sp* *no persiste en condiciones estériles*, pero si sobrevive en las biomezclas no estériles **OM** y **VM** pero no en **IM**.
3. La bioaumentación en la muestras estériles favoreció la degradación de dimetoato y oxifluorfen en **OM** donde se observa la mayor supervivencia de *Brevundimonas sp*, *Achromobacter sp* y *Fusarium sp*. resultados similares se observan en **VM**.
4. La bioaumentación con el consorcio microbiano fue eficaz en la biomezcla **OM** y **VM** para la degradación de herbicidas persistentes como el oxifluorfen.

**GRACIAS
POR SU ATENCIÓN**